



ՀՏԴ 636.4:612.015

## ԽՈՉԵՐԻ ՕՐԳԱՆՆԵՐԻՑ ԱՆՋԱՏՎԱԾ ՄԱՆՐԵՆԵՐԻ ՆՈՒՅՆԱԿԱՆԱՑՈՒՄԸ ՄՈՐՖՈԼՈԳԻԿԱԿԱՆ, ԿԵՆՍԱՔԻՄԻԿԱԿԱՆ ՄԵԹՈԴՆԵՐՈՎ ԵՎ API ԹԵՍՏՈՎ

Ի.Ա. Արտուշյան

ՀՀ ԷՆ Սննդամթերքի անվտանգության ոլորտի ռիսկերի գնահատման և վերլուծության գիտական կենտրոն

[irma.artushyan95@gmail.com](mailto:irma.artushyan95@gmail.com)

doi: 10.52276/25792822-2024.1-62

### ՏԵՂԵԿՈՒԹՅՈՒՆ

#### Բանալի բառեր՝

ենթատիպ,  
Էնտերոբակտերիաներ,  
կենսաքիմիական մեթոդ,  
մորֆոլոգիական մեթոդ,  
նույնականացում,  
ստաֆիլոկոկեր

### ԱՄՓՈՓԱԳԻՐ

Առողջ խոզերի ներքին օրգաններից վերցված 76 նմուշների մանրէաբանական հետազոտությունների ընթացքում անջատվել են մի շարք մանրէներ (ստաֆիլոկոկերի 8 ենթատիպ և Էնտերոբակտերիաների 7 տիպ՝ իրենց ենթատիպերով), որոնցից շատերը մարդկանց և կենդանիների համար ախտածին ու պայմանական ախտածին հարուցիչներ են և ուղղակի կամ անուղղակի փոխանցման արդյունքում կարող են վարակիչ հիվանդությունների աղբյուր լինել: Ըստ անջատված մանրէների մորֆոլոգիական, տիկտորալ, կենսաքիմիական հատկությունների, ինչպես նաև API թեստի՝ 99,9 % հավաստիությամբ որոշվել են յուրաքանչյուր մանրէի տիպը և ենթատիպը: Հիմք ընդունելով անջատված ամեն մի մանրէի տիպի և ենթատիպի նույնականացման ցուցանիշները՝ ընտրողական ազարային սննդամիջավայրերում առանձնացվել են շտամներ՝ ստաֆիլոկոկերից 5 ենթատիպ, Էնտերոբակտերիաներից 5 տիպ՝ իրենց ենթատիպերով: Ստացված հետազոտական արդյունքները կարող են կիրառվել անասնաբուժության, սննդամթերքի անվտանգության, ինչպես նաև առողջապահության բնագավառներում:

### Նախաբան

Բազմաթիվ երկրներում, այդ թվում՝ Հայաստանի Հանրապետությունում մարդկանց շրջանում հաճախ գրանցվող սննդային թունավորումները հիմնականում առաջանում են կենդանական ծագման մթերքից (Heredia, Garcia, 2018, Khalid, 2023): Հետազոտությունների արդյունքում արձանագրվում է, որ թունավորումների պատճառը հիմնականում մարդկանց համար վտանգավոր *Salmonella*, *Staphylococcus*, *E. coli* և այլ տիպի մանրէների թույլներն են (Hernandez-Cortez, et al., 2017, Popa and Papa, 2021):

Կարևոր է առողջ խոզերի օրգանիզմում տարբեր տեսակի մանրէների առկայությունը պարզելու և դրանց կողմից հետագայում թունավորումների հարուցման վտանգը հաստատելու համար կատարել հետազոտություններ: Սակայն հարկ է նշել, որ բժշկական և անասնաբուժական լաբորատորիաներում սննդամթերքի հետազոտությունները կատարվում են միայն մարդկանց մոտ սննդային թունավորումներ գրանցվելու դեպքում, երբ նրանք օգտագործած են լինում կենդանական ծագման սննդամթերք (Law, et al., 2015):

Չետագոտության նպատակն է առողջ խոզերի մորթի սկզբում վերցված ներքին օրգաններից անջատել մանրէներ, ուսումնասիրել վերջիններիս մորֆոլոգիական, տիկտորալ և կենսաքիմիական հատկությունները, API թեստի միջոցով որոշել դրանց տիպը և ենթատիպերը, առանձնացնել թանգարանային շտամները, ինչպես նաև գրանցել հետազոտված նմուշներում առանձին տեսակի մանրէի հայտնաբերման հաճախականությունը:

**Նյութը և մեթոդները**

Առողջ խոզերի ներքին օրգաններից մանրէների անջատման համար օգտագործվել է փխտազերծված հատուկ տարաներում տեղադրված 76 նմուշ (ավշային հանգույցներ, լյարդ, սիրտ, աղիներ): Տարաների պիտակի վրա Նշված են եղել համայնքի անունը, բոլոր անհրաժեշտ տվյալները: Մանրէաբանական հետազոտությունները, ըստ հերթականության, կատարվել են անասնաբուժական մանրէաբանությունում ընդունված մեթոդներով (Gotschlich, et al., 2019, Stefanetti, et al., 2022): Կիրառվել են ֆրանսիական Condalab ֆիրմայի արտադրության ընտրողական ագարային սննդամիջավայրեր՝ ստաֆիլոկոկերի անջատման համար՝ մանիտ աղային, սալմոնելաների անջատման համար՝ վիսմուտ սուլֆատ, աղիքային ցուպիկների և այլ էնտերոբակտերիաների անջատման համար՝ Մակկոնկի և վիսմուտ սուլֆատ, էնտերոբակտերիաների անջատման համար՝ սիմոնսի ցիտրատային ագարներ: Նշված ընտրողական ագարներից սննդամիջավայրեր են պատրաստվել ըստ ուղեցուցային համապատասխան մեթոդիկաների. հիմք են ընդունվել Եվրոպական ֆարմակոպեայի ստանդարտները և դրույթները (European Pharmacopoeia 11th Edition, 2023): Սննդամիջավայրերում աճեցված մանրէների գաղութներից պատրաստվել են քուլքեր և ներկվել Գրամի եղանակով:

Չետագոտությունների հիման վրա գնահատվել են անջատված տվյալ մանրէի մորֆոլոգիական և տիկտորալ հատկությունները (Bonnet, et al., 2019): Կենսաքիմիական հատկությունները գնահատվել են ըստ տվյալ մանրէի տարբեր շաքարային միջավայրերի ֆերմենտացիայի (Travis Altheide, 2019): Անջատված մանրէներում էնզիմ-կատալազի առկայությունը որոշելու համար առարկայական ապակու վրա կաթեցվել են 1 կաթիլ 1 %-անոց ջրածնի պերօքսիդի լուծույթ և մանրէի գաղութ: Պղպջակների առաջացումը նշանակում է, որ տվյալ մանրէն արտադրում է կատալազ ֆերմենտը: Նույնականացման համար ընտրվել է Api-staph թեստը, իսկ բացասական ռեակցիայի դեպքում էնտերոբակտերիաների համար նախատեսված Api 20E թեստը:

Չետագոտությունների արդյունքներով որոշվել են անջատված մանրէի տիպը և ենթատիպը:

Api-staph թեստի համակարգում առկա են 19 տեսակի տարբեր ռեագենտներ, որոնցից 12-ը շաքարային միջավայրեր են, իսկ Api 20E թեստի 19 ռեագենտներից շաքարային միջավայրեր են 9-ը: Նշված թեստի միջոցով

որոշվում է, թե տվյալ դեռևս ոչ հայտնի մանրէն քանի շաքարային միջավայր է ֆերմենտացիայի ենթարկել, ինչը արտահայտվում է տվյալ տեսակի շաքարի գույնի փոփոխությամբ: 24 ժամ անց ռեակցիան կարդալուց հետո արդյունքը փոխանցվում է համակարգչին, և վերջինիս միջոցով ստացվում է տվյալ անջատված մանրէի տիպի և ենթատիպի նույնականացման (идентификация) հավաստիության տոկոսային հարաբերակցությունը:

Ընդհանուր առմամբ բոլոր տեսակի թեստերի մեթոդների դեպքում սկզբունքորեն կարևոր է հետազոտվող մանրէի կախույթի ստանդարտացումը: Ընդ որում՝ կախույթի խտությունը պետք է կազմի 1,5-10 КОЕ մլ, որը ակնադիտորեն համապատասխանում է 0,5 Մակֆորլանդի 0,5 պլտորության ստանդարտին:

**Արդյունքները և վերլուծությունը**

Առողջ խոզերի ներքին օրգաններից վերցված 76 նմուշների մանրէաբանական հետազոտության ընթացքում հնարավոր է եղել 28 նմուշներից անջատել ստաֆիլոկոկեր, որոնք API թեստի տվյալներով մինչև 99,9 % հավաստիությամբ պատկանել են տարբեր ենթատիպերի՝ *St. aureus*, *St. xylosus*, *St. lentus*, *St. saprophyticus*, *St. warneri*, *St. haemolyticus*, *St. hominis*, *St. simulans*: Էնտերոբակտերիաներ անջատվել են 18 նմուշներից, API թեստի տվյալներով 8 տիպի *Salmonella enterica spp. arizonae*, *E. coli-1*, *Enterobacter aerogenes*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Proteus mirabilis*, *Salmonella typhimurium*, *Raoultella ornithinolytica*, *Stenotrophomonas homonas maltophilia* ենթատիպերին պատկանելիության հավաստիությունը կազմել է մինչև 99,8 %:

Անջատված մանրէների տվյալները ներկայացված են աղյուսակներ 1 և 2-ում: Նշված մանրէների որոշ ենթատիպեր անջատվել են մի քանի անգամ՝ *St. aureus* - 4 շտամ, *St. xylosus* - 15 շտամ, *St. lentus* - 3 շտամ, *St. hominis* - 2 շտամ և այլն, էնտերոբակտերիաներից՝ *E. coli* - 7 շտամ, *Salmonella* - 3 շտամ, *Enterobacter aerogenes* - 2 շտամ և այլն:

Բոլոր նմուշների սկզբնական մշակումից հետո ցանքը կատարվել է ընտրողական ագարային սննդամիջավայրերում: Ընտրողական ագարային սննդամիջավայրերի հետազոտության մեթոդիկաների վերաբերյալ աղյուսակում նշված է, թե ինչ տեսակի մանրէներ կարող են աճեցվել, որոնց դեպքում փոխվում է ագարի գույնը: Ուշագրավ է, որ առաջին իսկ ցանքի ժամանակ ստացվում է վերը նշված մանրէների մաքուր կուլտուրա: Ստաֆիլոկոկերի բոլոր ենթատիպերը լավ են աճում մանիտ-աղային ագարում. միջավայրի երանգը վարդագույնից փոխվում է դեղինի, և տեղի է ունենում դեղին գույնի գաղութներով լավ աճ: Գրամի եղանակով ներկված քուլքերում մանրադիտակով տեսանելի են գրամդրական ներկված մեկական և երկուական կոկեր: Դրանց մեծ մասն ունեն խաղողի ողկույզի ձև, սպոր և պատիճ չեն առաջացնում, անշարժ են: Չետագոտությունների ընթացքում պարզվել է, որ ստաֆիլոկոկերը հիմնականում

անջատվում են խոզերի պարանոցի ավշային հանգույցներից, հազվադեպ նաև լյարդից և սրտից:

Էստերոբակտերիաների բոլոր տիպերը և ենթատիպերը Գրամի եղանակով ներկվել են բացասական: Մանրադիտակով լավ տեսանելի են վարդակարմիր կլորավուն եզրերով ոչ մեծ ցուպիկներ: Դրանք սպոր և պատիճ չեն առաջացնում, շարժունակ են: *E. coli*-ն, *Enterobacter aerogenes*-ը, ինչպես նաև աղյուսակում նշված Էստերոբակտերիաներից շատերը լավ են աճում Մակկոնկի ազարում: *Salmonella*-ները Սիմոնսի ազարի վրա աճելիս ազարի կանաչ գույնը փոխվում է կապույտի, իսկ վիսմուտ սուլֆատ ազարում աճելիս ազարի գույնը չի փոխվում, առաջանում են սևավուն մետաղական փայլով գաղութներ: Ախտաբանական նյութերից անջատված մանրէների կենսաքիմիական ակտիվությունը

նր տարբեր է և պայմանավորված է բջից հատուկ ֆերմենտային համակարգով: Արդյունքները գրանցվում են 24 ժամ անց՝ ռեակցիան կարդալուց հետո. հիմք է ընդունվում յուրաքանչյուր շաբաթի գույնի փոփոխությունը: Ստաֆիլոկոկերի 8 ենթատիպերը 12 շաբաթային միջավայրերից 8-ը քայքայել են 100 %-ով, իսկ *xylitol*-ը, *D-melibiose*-ը, *D-raffinose*-ը, *D-xylose*-ը քայքայել են մասնակի: Էստերոբակտերիաների 7 տիպերն իրենց ենթատիպերով 9 շաբաթային միջավայրերից 100 %-ով քայքայել են 6-ը, չեն քայքայել 3-ը՝ *urea*-ն, *inositol*-ը և *D-Saccharose*-ն:

Ստաֆիլոկոկերի և Էստերոբակտերիաների կողմից շաբաթային միջավայրերի քայքայման ռեակցիայի արդյունքները կարևոր նշանակություն ունեն API թեստի՝ անջատված մանրէների տիպերը և ենթատիպերը ճիշտ որոշելու համար:

**Աղյուսակ 1.** խոզերի օրգաններից անջատված ստաֆիլոկոկերի նույնականացումը \*

Շտամներ	Ամիս, ամսաթիվ, տարի	Օրգանի անվանումը	Ներկումն ըստ Գրամի եղանակի	Սորֆոլոգիական տվյալներ	Api թեստի ցուցանիշները, %
<i>St. lentus</i>	25.02.22	Մեզենտերային ավշային հանգույց	+	Կոկեր	99,8
<i>St. lentus</i>	30.03.22	Մեզենտերային ավշային հանգույց	+	Կոկեր	99,8
<i>St. haemolyticus</i>	06.04.22	խոզի լյարդ	+	Կոկեր	46,5
<i>St. xylosus</i>	29.06.22	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	90,9
<i>St. xylosus</i>	31.08.22	Պարանոցի և թիակի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	99,6
<i>St. aureus</i>	31.08.22	Պարանոցի և թիակի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	97,7
<i>St. xylosus</i>	31.08.22	Պարանոցի և թիակի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	55,0
<i>St. xylosus</i>	16.11.22	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	99,9
<i>St. aureus</i>	16.11.22	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	54,6
<i>St. hominis</i>	16.11.22	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	54,6
<i>St. hominis</i>	30.11.22	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	54,6
<i>St. xylosus</i>	30.11.22	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	55,9
<i>St. simulans</i>	25.01.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	84,6
<i>St. xylosus</i>	25.01.23	Լյարդ	+	Կոկեր	54,2
<i>St. xylosus</i>	22.02.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	78,6
<i>St. xylosus</i>	22.02.23	Լյարդ	+	Կոկեր	97,4
<i>St. xylosus</i>	05.04.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	99,1
<i>St. saprophyticus</i>	05.04.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	61,8
<i>St. xylosus</i>	12.04.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	54,2
<i>St. warneri</i>	10.05.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	90,0
<i>St. aureus</i>	31.05.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	54,6
<i>St. xylosus</i>	31.05.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	80,9
<i>St. aureus</i>	31.05.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	54,6
<i>St. xylosus</i>	14.06.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	99,6
<i>St. xylosus</i>	14.06.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	+	Կոկեր	54,3
<i>St. xylosus</i>	12.07.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	97,5
<i>St. lentus</i>	12.07.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	99,8
<i>St. xylosus</i>	12.07.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	+	Կոկեր	81,3

\* Կազմվել է հեղինակի կողմից:

**Աղյուսակ 2.** խոզերի օրգաններից անջատված *Էստերոբակտերիաների* նույնականացումը\*

Շտամներ	Ամիս, ամսաթիվ, տարի	Օրգանի անվանումը	Ներկումն ըստ Գրամի եղանակի	Մորֆոլոգիական տվյալներ	Արի թեստի ցուցանիշները, %
<i>Salmonella spp. typhimurium</i>	16.03.22	Աղիներ	-	Ցուպիկ	99,8
<i>Proteus mirabilis</i>	25.02.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	93,5
<i>E. coli</i>	01.03.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	99,5
<i>Enterobacter aerogenes</i>	01.03.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	88,2
<i>E. coli</i>	12.04.23	Լյարդ	-	Ցուպիկ	99,5
<i>Salmonella enterica</i>	12.04.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	99,6
<i>E. coli</i>	19.04.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	99,5
<i>E. coli-1</i>	19.04.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	99,8
<i>E. coli</i>	31.05.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	-	Ցուպիկ	61,8
<i>Salmonella spp. typhimurium</i>	31.05.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	99,6
<i>E. coli</i>	14.06.23	Պարանոցի, թիակի, ազդրի ավշային հանգույցներ	-	Ցուպիկ	99,3
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	12.07.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	-	Ցուպիկ	95,7
<i>E. coli</i>	12.07.23	Պարանոցի ավշային հանգույց	-	Ցուպիկ	99,8
<i>Enterobacter aerogenes</i>	09.08.23	Աղիներ	-	Ցուպիկ	71,5
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	30.03.22	Սրտի արյուն	-	Ցուպիկ	99,3
<i>Burkholderia cepacia</i>	20.04.22	Բարակ աղիներ	-	Ցուպիկ	88,4
<i>Raoultella ornithinolytica</i>	31.08.22	Պարանոցի և թիակի ավշային հանգույցներ	-	Ցուպիկ	90,5
<i>Raoultella ornithinolytica</i>	12.07.23	Պարանոցի ավշային հանգույցներ	-	Ցուպիկ	90,5

\* Կազմվել է հեղինակի կողմից:

Աղյուսակ 2-ում ներկայացված *Էստերոբակտերիաների* երեք տիպերը՝ *Stenotrophomonas maltophilia*-ն, *Burkholderia cepacia*-ն, *Raoultella ornithinolytica*-ն, ըստ ինտերնետային գրականության տվյալների, գործնականում հանդիպում են հազվադեպ: Այս մանրէներն անջատվել են հիվանդանոցներում բուժվող քրոնիկ հիվանդներից (տուբերկուլյոզ, մուկովիսցիդոզ, չարորակ ուռուցք, ՄԻՎԿ և այլն), կոչվում են ներհիվանդանոցային հարուցիչներ, որոնց առկայության դեպքում հիվանդները դժվար են բուժվում:

Անասնաբուժության բնագավառում մանրէաբանական հետազոտությունների տվյալները բացակայում են: Առողջ խոզերի ներքին օրգաններից նշված մանրէները մեր կողմից անջատվել են առաջին անգամ:

Աղյուսակներ 1 և 2-ում նույն ամսաթվով միևնույն մանրէի շտամի մի քանի անգամ կրկնողությունը ցույց է տալիս, որ դրանք անջատվել են տարբեր խոզերից: Ներկայացված

ստաֆիլոկոկերի ու *Էստերոբակտերիաների* ավելի բարձր ցուցանիշներով շտամներն առանձնացվել են որպես թանձարանային շտամներ:

1. Ստաֆիլոկոկեր՝ N 2 (*St. lentus*), N 6 (*St. aureus*), N 13 (*St. simulans*), N 17 (*St. xylosus*), N20 (*St. warneri*):
2. *Էստերոբակտերիաներ*՝ N 1 (*Salmonella spp. typhimurium*), N 4 (*Enterobacter aerogenes*), N 6 (*Salmonella enterica*), N 8 (*E. coli-1*), N 20 (*Pseudomonas aeruginosa*):

**Եզրակացություն**

Հետազոտություններով պարզվել է, որ առողջ խոզերի օրգանիզմում առկա են մեզ հայտնի ստաֆիլոկոկերի և *Էստերոբակտերիաների* բազմաթիվ տիպեր ու ենթատիպեր, որոնք հետագայում կարող են հարուցել մարդկանց սննդային թունավորումներ:

Ըստ API թեստի տվյալների՝ տարբեր խոզերից անջատված *St. xyloso* տիպի մանրէի ենթատիպերի նույնականացման դեպքում գրանցվել է տարբեր աստիճանի ճշգրտություն (*St. xyloso* 15 շտամները՝ 54,2-99,9 %):

Ախտաբանական նմուշից ընտրողական ազարային միջավայրերում առաջին իսկ ցանքսի ժամանակ ստացվել է տվյալ տիպի մանրէի մաքուր կուլտուրա: Ստաֆիլոկոկերը հիմնականում անջատվել են ավշային հանգույցներից, հազվադեպ՝ լյարդից:

Մանրաբանական հետազոտությունների ընթացքում միաժամանակ գրանցվել են ստաֆիլոկոկերի և էնտերոբակտերիաների առանձին շտամների մորֆոլոգիական, տինկտորալ, կենսաքիմիական ու նույնականացման ցուցանիշների ակնհայտ տարբերություններ:

### Գրականություն

- Bonnet, M., Lagier, J., Raoult, D., Khelaifia, S. (2019). Bacterial culture through selective and non-selective conditions: the evolution of culture media in clinical microbiology. *New Microbes New Infect.* 34, 100622. <https://doi.org/10.1016/j.nmni.2019.100622>.
- Gotschlich, E.C., Colbert, R.A., Gill, T. (2019). *Methods in Microbiome Research: Past, Present and Future.* <https://doi.org/10.1016/j.berh.2020.101498>.
- European Pharmacopoeia 11th Edition (2023). <https://www.webofpharma.com/2023/06/european-pharmacopoeia-11th-edition-pdf.html>.
- Hernández-Cortez, C., Palma-Martínez, I., Uriel Gonzalez-Avila, L., Guerrero-Mandujano, A., Castro Escarpulli, R.C.S. and G. (2017). Food Poisoning Caused by Bacteria - From Specific Toxic Agents to Novel Rapid and Simplified Techniques for Analysis. *IntechOpen.* <https://doi.org/10.5772/intechopen.69953>.
- Khalid Salmeen, A. Kh. (2023). Food-Borne Diseases and their Impact on Health. *Biosciences biotechnology research Asia*, Vol. 20(3), - pp. 745-755. <https://dx.doi.org/10.13005/bbra/3129>.
- Law, JW.F., Ab-Mutalib, N.S., Chan, K.G., Lee, L.H. (2015). Rapid methods for the detection of foodborne bacterial pathogens: principles, applications, advantages, and limitations. *Front. Microbiol.* 5:770. <https://dx.doi.org/10.3389/fmicb.2014.00770>.
- Norma Heredia, N., Santos García, S. (2018). Animals as sources of food-borne pathogens: A review. *Anim Nutr.* 4(3): 250-255. <https://doi.org/10.1016/j.aninu.2018.04.006>.
- Popa Gabriela Loredana and Papa Mircea Ioan. (2021). Salmonella spp. infection - a continuous threat worldwide. *Germs.*; 11(1): 88-96. <https://doi.org/10.18683/germs.2021.1244>.
- Stefanetti, V., Hyatt, D., Passamonti, F. (2022). Diagnostic procedures in veterinary microbiology and infectious diseases. *Front Vet Sci.* 9:868741. <https://doi.org/10.3389/fvets.2022.868741>.
- Travis Altheide, S. (2019). Biochemical and Culture-based Approaches to Identification in the Diagnostic Microbiology Laboratory *American Society for Clinical Laboratory Science*, 32 (4): 166-175. <https://doi.org/10.29074/ascls.201900187>.

## Идентификация выделенных из органов свиней бактерий с помощью морфо-биохимических методов и тестов API

И.С. Артушян

МЭ РА Научный центр оценки и анализа рисков в области безопасности пищевой продукции

**Ключевые слова:** биохимический метод, идентификация, морфологический метод, подтип, стафилококки, энтеробактерии

**Аннотация.** При микробиологическом исследовании 76 проб, взятых из внутренних органов здоровых свиней, выделено 8 подтипов стафилококков и 7 типов энтеробактерий с их подтипами. Многие из них являются патогенными и условно-патогенными для человека и животных и в результате прямой или непрямой передачи могут стать источниками инфекционных заболеваний. По морфологическим, тинкторальным, биохимическим свойствам выделенных микроорганизмов, а также тесту API определяли тип и подтип каждой бактерии с достоверностью до 99.9 %. На основании идентификационных показателей типа и подтипа каждой бактерии на селективных агаризованных питательных средах получены штаммы 5 подтипов стафилококков, 5 типов энтеробактерий с их подтипами. Полученные результаты могут быть применены в области ветеринарной медицины, безопасности пищевых продуктов, а также здравоохранения.

## Identification of Microbes Isolated from Pig Organs Using Morphologic-Biochemical Methods and API Test

I.S. Artushyan

MOE RA Scientific Center for Risk Assessment and Analysis in Food Safety Area

**Keywords:** *biochemical methods, enterobacteria, identification, morphological methods, Staphylococci, subtypes*

**Abstract.** The study aims to isolate microbes residing within the internal organs of healthy pigs, extracted from the skin. Through rigorous examination, we aim to analyze their morphological, tinctural, and biochemical characteristics, utilizing the API test to classify the types and subtypes accurately. Additionally, we seek to isolate museum strains for further investigation. Moreover, we intend to document the prevalence and frequency of detection of various microbial types within the sampled specimens. In the course of microbiological examination, 76 samples were obtained from the internal organs of healthy pigs. The analysis revealed the isolation of 8 subtypes of staphylococci and 7 types of enterobacteria, each with their respective subtypes. Utilizing morphological, tinctural, biochemical, and API test data for the isolated microbes, we achieved a confidence level of 99.9 % in accurately determining the type and subspecies of each microbe. Based on the comprehensive data, we selectively preserved strains, including 5 subtypes of staphylococci and 5 types of enterobacteria with their subtypes.

---

### Շահերի հայտարարագիր

Չեղիճակը հայտարարում է, որ այս հոդվածի հետազոտության, հեղինակության և/կամ հրատարակման հետ կապված շահերի բախում առկա չէ:

---

Ընդունվել է՝ 04.01.2024 թ.  
Գրախոսվել է՝ 01.02.2024 թ.